

SURVEILLANCE CHEZ L'HOMME EN FRANCE EN 2020**Janvier – Août**

Depuis le 1^{er} janvier 2020, le CNR a reçu et analysé, pour un diagnostic de laboratoire d'infection récente par un hantavirus, 81 échantillons (79 sérums ou plasmas, 1 urine, 1 LCR) provenant de 71 patients. (53% ont été adressés par des laboratoires hospitaliers ou spécialisés pour un diagnostic de confirmation de résultat et dans un but de surveillance).

Le CNR a effectué sur tous ces prélèvements, dans le cadre du diagnostic, une recherche d'IgM et d'IgG anti-hantavirus [ELISA IgM anti-virus Puumala (PUUV), Dobrava-Belgrade (DOBV), Seoul (SEOV), THAIV ou Sin Nombre (SNV) et IgG anti-PUUV, DOBV, SEOV, THAIV ou SNV + IF Ig anti PUUV, SEOV, THAIV ou DOBV], le choix des antigènes testés dépendant du lieu d'exposition des patients. Le CNR a également recherché l'ARN de PUUV ou d'hantavirus (RT-PCR temps réel et RT-PCT Nichée respectivement) en cas de demande expresse ou sur certains prélèvements ciblés en complément de diagnostic et dans le cadre de la surveillance.

Sur la base des résultats de ces examens, 12 patients ont été classés comme des nouveaux cas confirmés d'infection récente par un hantavirus [CCIRH] (présence de PUUV pour 6 cas, de SEOV pour 1 cas, et d'IgM et d'IgG anti-hantavirus pour 5 autres). Les fiches de renseignements (parfois imparfaitement complétées) ont été disponibles pour tous les cas.

Ces 12 cas sont 1 femme et 11 hommes (sexe-ratio M/F = 11), adultes (médiane d'âge : 41,0 ans). La distribution géographique des 12 CCIRH est présentée sur la figure 1. Les données se fondent d'abord 1/ sur la commune de résidence du patient (n=10) ou 2/ sur une commune différente de la commune de résidence, indiquée comme lieu d'exposition (n=2). La distribution mensuelle est représentée sur la figure 2 et le tableau 2 (sur la base de la date de prélèvement du patient).

Nombre de cas détectés depuis le début de l'année très en deçà de la courbe des moyennes mensuelles.

A noter : - la détection d'un cas d'infection par le virus Seoul à Paris (cas détecté d'abord sérologiquement puis virus identifié rétrospectivement dans un échantillon précoce récupéré d'une bibliothèque hospitalière).
- la détection de deux cas prélevés en juin et géographiquement proches en Savoie (73), département où peu de cas sont détectés habituellement.

Contact : Jean-Marc Reynes, responsable du CNR Hantavirus, Unité Environnement et Risques Infectieux

Institut Pasteur, 25-28 rue du Docteur Roux, 75724 Paris Cedex 15 (cnr-hantavirus@pasteur.fr)

Site Web : <https://www.pasteur.fr/fr/sante-publique/CNR/les-cnr/hantavirus>

Tableau : Distribution spatio-temporelle de cas confirmés d'infection récente par un hantavirus, 2020, France métropolitaine (départements avec cas détectés sur la période 2003-2020) : **en rouge, les nouveaux cas détectés suite aux examens effectués ce mois**. Un cas d'infection par un hantavirus de Saône-et-Loire prélevé en décembre 2019 et détecté en 2020 est indiqué dans la colonne 2019 (« +1 »).

Région	Département	Population Municipale Décret 2019	Année																							
			2015		2016		2017		2018		2019		2020													
			Total	Incid.†	Total	Incid.†	Total	Incid.†	Total	Incid.†	Total	Incid.†	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	Total	
Hauts-de-France	02	546 527	15	2,77	20	3,70	37	6,87	16	2,97	31	5,67	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	
	59	2 604 361	14	0,54	13	0,50	39	1,5	17	0,58	20	0,77	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	
	60	824 503	1	0,12	2	0,25	9	1,1	3	0,24	7	0,85	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
	62	1 468 018	2	0,14	1	0,07	4	0,27	3	0,20	1	0,07	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1
	80	572 443	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Grand-Est	08	273 579	34	12,02	7	2,48	30	10,8	5	1,80	16	5,85	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2
	10	310 020	0	0	0	0	1	0,32	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	51	568 895	11	1,93	1	0,18	5	0,87	2	0,35	3	0,53	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1
	52	175 640	0	0	0	0	4	2,23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	54	733 481	0	0	0	0	3	0,41	1	0,14	1	0,14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	55	187 187	4	2,07	2	1,04	5	2,62	0	0	3	1,6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	57	1 043 522	0	0	0	0	1	0,1	0	0	1	0,1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	67	1 125 559	2	0,18	0	0	4	0,36	0	0	2	0,18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	68	764 030	1	0,13	1*	0,13	3	0,39	0	0	1	0,13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
88	367 673	0	0	0	0	3	0,82	0	0	1	0,27	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
Normandie	27	601 843	0	0	0	0	0	0	0	0	0,17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Ile-de-France	75	2 187 526	2(1 [‡])	0,09	2	0,09	0	0	1*	0,05	0	0	0	1*	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1
	77	1 403 997	3(1 [‡])	0,22	0	0	0	0	0	0	3	0,21	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	78	1 438 266	1	0,07	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	92	1 609 306	1	0,06	0	0	2	0,12	0	0	1	0,06	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	93	1 623 111	1	0,06	2	0,13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	94	1 387 926	1	0,07	0	0	0	0	2	0,15	1	0,07	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	95	1 228 618	0	0	0	0	2	0,16	0	0	2	0,16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Centre V-de-L.	41	331 915	0	0	0	0	1	0,3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	45	678 105	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0,59	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Bourgogne-Franche-Comté	21	533 819	4	0,75	1	0,19	5	0,94	0	0	4	0,75	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	25	539 067	13	2,41	1	0,19	25	4,66	1	0,19	8	1,48	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	39	260 188	7	2,68	3	1,15	33	12,66	1	0,38	4	1,54	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1
	58	207 182	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0,48	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	70	236 659	10	4,21	0	0	10	4,21	0	0	3	1,27	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	71	553 595	2	0,36	0	0	2	0,36	0	0	0+1	0,18	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	89	338 291	1	0,29	0	0	0	0	0	0	3	0,89	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	90	142 622	1	0,69	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Auvergne Rhône-Alpes	01	643 350	0	0	0	0	2(1*)	0,32	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	03	337 988	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0,30	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	38	1 258 722	0	0	0	0	4	0,32	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	73	431 174	1	0,24	0	0	0	0	1	0,23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1+1	0	2
Total		29 538 708	132	0,45	56	0,19	234	0,79	53	0,18	124	0,42	3	2	1	0	2	2	1							11

† Incid. = Incidence pour 100 000 habitants ; * Cas d'infection récente par le virus Seoul ; ‡ Cas d'infection récente par le virus Tula.